

> STAT 4.1 - ANALYSE DE DONNÉES RNA-SEQ SOUS GALAXY

PROGRAMME

> Introduction

- > Introduction au NGS et plateformes technologiques
- > Introduction à l'analyse de données NGS
- > Formats de fichiers (e.g FASTA, FASTQ, SAM, BAM)
- > Les banques de données et l'archivage des données
- > Présentation détaillée de Galaxy

> RNA-SEQ

- > Rappel sur l'ARN et l'expression
- > Questions biologiques
- > Protocole expérimental RNA-seq
- > Design expérimental

> Analyse de données RNA-SEQ

- > Alignement des séquences sur un génome de référence
- > Construction d'un assemblage de novo
- > Quantification des transcrits
- > Alignement sur transcriptome et quantification
- > Expression différentielle
- > Étude des variants d'épissage

INTERVENANT & COORDINATION

Matthieu Defrance

PhD - Computer Science, Université de Lille
Professeur, ULB
Senior Researcher at IB²

Coordination : Marie Lebacqz

Biostatisticienne - Ingénieure de formation
ULB HeLSci - BIOPS

MÉTHODOLOGIE

- > 60% de théorie
- > 40% de pratique

Pré-requis

- > Connaissances de base en statistiques
- > Avoir suivi le module : STAT 1.1 - Statistiques de base appliquées aux sciences du vivant

PUBLIC

- > Biologistes, responsables de projets, chercheurs du secteur biotechnologique qui sont amenés à réaliser des expériences de RNA-seq
- > 12 personnes maximum

EN PRATIQUE



2 journées de formation de 9h15 à 17h00

- » 03/12/19
- » 04/12/19



ULB Campus Charleroi (Gosselies)



Doctorant ULB - 300 € *

Secteur public / ASBL - 500 €

Entreprise - 700 €

* Possibilité d'obtenir une bourse **ULB HeLSci** « Doctorant ULB », sur base d'une demande motivée, après avoir complété votre dossier d'admission. **15 bourses disponibles par semestre en 2019.**

INSCRIPTION

<http://helsci.ulb.be>

CONTACT

02/555 85 17 - 02/555 89 95

helsci@ulb.be

[facebook/ULBHeLSci](https://www.facebook.com/ULBHeLSci)

